

DADES GENERALS

Curs acadèmic

Tipus de curs	Certificat Universitari
Nombre de crèdits	3,00 Crèdits ECTS
Matrícula	350 euros (import preu públic)
Requisits d'accés	Llicenciats o Graduats en titulacions relacionades amb el camp de la Biologia o la Biomedicina. Enginyers o Enginyers tècnics amb algun coneixement de Biologia.
Modalitat	Presencial
Lloc d'impartició	Fundación para el Fomento de la Investigación Sanitaria y Biomédica de la Comunitat Valenciana (FISABIO), Avda. de Catalunya, 21. 46020 Valencia
Horari	Dilluns 19 de juny de 2017 a dijous 22 de juny de 2017 de 9 a 13h i de 14.30 a 17.30 i divendres 23 de juny de 2017 de 9 a 13h,

Direcció

Organitzador	Departament de Genètica
Patrocinador	Cátedra FISABIO de Investigación Biomédica
Direcció	Francisco J. Silva Moreno Catedrático/a de Universidad. Departament de Genètica. Universitat de València Giuseppe D'Auria Coordinador Servicio Secuenciación y Bioinformática. Fundació per el Foment de la Investigació Sanitària i Biomèdica de la CV (FISABIO)

Terminis

Preinscripció al curs	Fins a 02/06/2017
Data inici	Juny 2017
Data fi	Juny 2017

Més informació

Telèfon	961 603 000
E-mail	informacio@adeituv.es

PROGRAMA

Next generation sequencing technologies. NGS in comparative genomics and microbial ecology. NGS Bioinformatics formats, managing data. Genome Assembly and mapping. Installing a Linux system. Unix commands. From office automation to computation for NGS. One command line pipelines. Introduction to R. R data formats and operations. R programming for bioinformatics. Student Project, Tests and questionnaires.

PROFESSORAT

Alejandro Artacho Pérez

Estadístico. Máster en Bioinformática

Pascual Vicente Asensi Belloch

Informática Escala Técnica Básica. Departament de Prehistòria i Arqueologia. Universitat de València

Giuseppe D'Auria

Coordinador Servicio Secuenciación y Bioinformática. Fundació per el Foment de la Investigació Sanitària i Biomèdica de la CV (FISABIO)

Rosario Gil García

Profesor/a Titular de Universidad. Departament de Genètica. Universitat de València

David Pérez Villarroya

OBJECTIUS

Les sortides professionals que té el curs són:

Investigació bàsica i aplicada en entitats públiques o privades on es necessite estudis relacionats amb la seqüenciació massiva

Aprenentatge de:

- Mètodes de seqüenciació massiva
- Aplicació de mètodes de seqüenciació massiva en genòmica, metagenòmica i taxonomia bacteriana
- Instal·lació del sistema Linux
- Fonaments de bash i ordres bàsiques
- Creació de pipelines
- Fonaments de R i ordres bàsiques
- Programació bàsica en bioinformàtica
- Mapeig de genomes, assemblatge de seqüències i assignació taxonòmica bacteriana

METODOLOGÍA

- Classes magistrals
- Pràctiques individuals
- Lectura material bibliogràfic i manuals